



Bioinformatica per il single-cell sequencing

23 novembre 2021

**Il corso si svolgerà in modalità telematica.
Orario delle lezioni: 9-12 / 14-17.**

Docente: Marco Chierici - Fondazione Bruno Kessler, Trento

Programma

- Bulk sequencing e bioinformatica: recap
- Introduzione al single cell sequencing in particolare all'RNA-seq
- Dalle sequenze alle matrici di espressione
- Strumenti R e Python per l'analisi di single-cell RNA-seq

Il corso si terrà in italiano.

CV Dott. Marco Chierici

Marco Chierici ha conseguito il dottorato in Bioingegneria nel 2007 ed è attualmente data scientist presso l'unità di ricerca Data Science for Health (DSH) della Fondazione Bruno Kessler a Trento, dove è responsabile dell'area di Bioinformatica e Biologia Computazionale. È esperto nella programmazione scientifica con R e Python, nell'analisi computazionale di big data biologici e nell'integrazione di metodi di intelligenza artificiale nei workflow bioinformatici. Marco è coautore di più di 40 articoli apparsi su riviste internazionali, svolge attività di training in (bio)informatica e machine learning, ed è docente a contratto presso l'Università di Trento.

Modalità di partecipazione

€ 70 + IVA*

***In caso di esenzione IVA, allegare documentazione.**

Informazioni, [CONDIZIONI GENERALI](#) e modulo di iscrizione: www.afinsubria.org.

Pagamento da effettuare con bonifico bancario dopo la conferma dell'attivazione del corso da parte della Segreteria Organizzativa:

Beneficiario: D'Urso & Fanali S.r.l.

Causale: Nome Cognome Single-cell-seq novembre 2021

Iban: IT87P0503450233000000000292

Bic / Swift: BAPPIT21L99

Segreteria scientifica e organizzativa:

Alta Formazione Insubria

Cell. 338 9636719 e-mail: afi@afinsubria.org

<http://www.afinsubria.org>

